

DetECCIÓN DE UNA VARIANTE DEL SARS-CoV-2 EN REINO UNIDO

19 de diciembre de 2020

El 14 de diciembre de 2020, las autoridades del Reino Unido informaron que se había identificado una variante del SARS-CoV-2 mediante secuenciación genómica viral en 1.108 personas (hasta el 13 de diciembre de 2020).

Dado que los primeros casos de la variante del SARS CoV-2 identificada en el Reino Unido datan de septiembre de 2020, es probable que este virus esté circulando en otros lugares.

Se necesitan más estudios para caracterizar si esta variante del SARS CoV-2 es diferente en términos de virulencia, transmisibilidad y otras características.

Considerando los muchos factores que contribuyen a la dinámica de transmisión, todavía no hay evidencia suficiente para apoyar que esta variante o cualquier otra variante o mutación en particular pueda estar completamente asociada con un patrón de infectividad aumentado o de virulencia o de eficacia de la vacuna. Sin embargo, dada la intensa transmisión y la rápida propagación en áreas donde se ha encontrado la variante del SARS-CoV-2, el Reino Unido está llevando a cabo más investigaciones.

El gobierno del Reino Unido ha informado que no hay evidencia, en esta etapa, que sugiera que las vacunas contra la COVID-19 que se están aplicando actualmente en todo el país no serán efectivas contra la nueva variante del coronavirus.

Nota de la Organización Panamericana de la Salud (OPS) / Organización Mundial de la Salud (OMS)

Todos los virus, incluido el virus SARS-CoV-2, cambian con el tiempo. Hasta ahora, se han identificado cientos de variaciones de este virus en todo el mundo y la OPS / OMS ha estado atenta a esas detecciones. Hasta la fecha, la mayoría de los cambios de este virus han tenido poco o ningún impacto en cómo se transmite o en la gravedad de la enfermedad que causa.

Desde la caracterización genómica inicial del SARS-CoV-2, el virus se ha dividido en diferentes grupos genéticos o clados. La ocurrencia de mutaciones es un evento natural y esperado dentro del proceso de evolución del virus. De hecho, algunas mutaciones específicas definen los grupos genéticos virales que circulan actualmente a nivel mundial.

Aunque algunas mutaciones específicas se han asociado con un potencial aumento de la infectividad in vitro (y en algunos modelos en animales), estos hallazgos experimentales pueden no reflejar con precisión el efecto de las variantes sobre la transmisibilidad del virus en la población humana. De hecho, la evidencia indica que las variantes genéticas del SARS-CoV-2 identificadas hasta la fecha tienen una influencia mucho menor en la transmisibilidad del virus y la gravedad de la COVID-19 que otros factores de riesgo, como la edad, las condiciones subyacentes o incluso el comportamiento social y el apego a las medidas de salud pública.

Recomendaciones de la OMS

Los hallazgos preliminares del Reino Unido ponen el punto sobre el problema de las mutaciones del virus SARS-CoV-2, ante lo cual, la OMS subraya la importancia de compartir rápidamente la información epidemiológica, virológica y de la secuencia completa del genoma con otros países y equipos de investigación, incluso a través de fuentes abiertas, plataformas como GISAID y otras.

La OMS insta que se realicen más estudios virológicos para comprender las mutaciones específicas descritas por el Reino Unido y otros países a los efectos de investigar más a fondo cualquier cambio en la función del virus en términos de infectividad y patogenicidad.

La OMS insta a todos los países que aumenten la secuenciación genómica del SARS-CoV-2 siempre que sea posible y que compartan los datos de secuencias a nivel internacional, en particular, para informar si se encuentran las mismas mutaciones de interés.

La OMS expresa su preocupación por la pérdida de rendimiento notificada de los ensayos de PCR que se dirigen al gen spike (S) del virus. Se recomienda a los laboratorios que utilizan kits comerciales de PCR para los que los genes virales diana no están claramente identificados en las instrucciones del fabricante que se pongan en contacto con el fabricante para obtener más información. Los laboratorios que utilizan ensayos de PCR internos que se dirigen al gen S del virus también deben ser conscientes de este problema potencial.

Para limitar el impacto en las capacidades de detección en los países, también se recomienda un enfoque que utilice ensayos paralelos o múltiples dirigidos a diferentes genes virales para permitir la detección de posibles variantes emergentes.

Es importante recordar a las comunidades y a los trabajadores de la salud los principios básicos para reducir el riesgo general de transmisión de infecciones respiratorias agudas:

- Evitar el contacto cercano con personas que padecen infecciones respiratorias agudas.
- Lavarse las manos con frecuencia, especialmente después del contacto directo con personas enfermas o su entorno.
- Evitar el contacto sin protección con animales de granja o silvestres.
- Las personas con síntomas de infección respiratoria aguda deben practicar la etiqueta de tos (mantener la distancia, cubrirse al toser y al estornudar con pañuelos desechables o ropa y lavarse las manos).
- Dentro de los establecimientos de salud, mejorar las prácticas estándar de prevención y control de infecciones en los hospitales, especialmente en los departamentos de urgencias.

La OMS recomienda las medidas de salud enumeradas anteriormente para todos los viajeros, incluso desde y hacia el Reino Unido. En caso de síntomas que sugieran una enfermedad respiratoria aguda durante o después del viaje, se recomienda a los viajeros que busquen atención médica y compartan su historial de viajes con su proveedor de atención médica. Las autoridades sanitarias deben trabajar con los sectores de viajes, transporte y turismo para proporcionar a los viajeros información para reducir el

riesgo general de infecciones respiratorias agudas, a través de clínicas de salud para viajeros, agencias de viajes, operadores de transporte y en los puntos de entrada.

La OMS ha proporcionado una guía provisional para la COVID-19 (consulte las referencias a continuación).

La OMS desaconseja la aplicación de restricciones de viaje o comerciales para el Reino Unido en función de la información actualmente disponible sobre este evento.

Para obtener más información sobre la detección de una variante del SARS-CoV-2 en el Reino Unido, consulte:

- Gobierno de Reino Unido. Declaración del director médico, profesor Chris Whitty, sobre la nueva cepa de Covid-19. Disponible en inglés en: <https://www.gov.uk/government/news/statement-from-chief-medical-officer-professor-chris-whitty-about-new-strain-of-covid-19>
- Gobierno de Reino Unido. PHE investiga una nueva cepa de COVID-19. Disponible en inglés en: <https://www.gov.uk/government/news/phe-investigating-a-novel-strain-of-covid-19>
- OMS. Sitio de información de eventos de la OMS - [United Kingdom | COVID-19 Event Update 2020-12-18](#) (Solo para Centros Nacionales de Enlace para el RSI)

Enlaces relacionados a la COVID-19

- Iniciativa global para compartir datos sobre la influenza aviar (GISAIID). Disponible en: <https://www.gisaid.org/>
- Nuevo coronavirus de la OMS (COVID-19). Disponible en: <https://www.who.int/emergencies/diseases/novel-coronavirus-2019>
- Orientación técnica provisional de la OMS para el nuevo coronavirus. Disponible en: <https://www.who.int/health-topics/coronavirus>
- Consejos de viaje de la OMS para viajes y comercio internacionales en relación con el brote de neumonía causada por un nuevo coronavirus en China. Disponible en: <https://bit.ly/3mzy9VC>
- Informes de situación de la OMS sobre el nuevo coronavirus (COVID-19). Disponible en: <https://www.who.int/emergencies/diseases/novel-coronavirus-2019/situation-reports>

OPS



Organización
Panamericana
de la Salud



Organización
Mundial de la Salud
OFICINA REGIONAL PARA LAS
Américas

- Panel de control de la OMS para el nuevo coronavirus (COVID-19). Disponible en: <http://who.maps.arcgis.com/apps/opsdashboard/index.html#/c88e37cfc43b4ed3baf977d77e4a0667>
- OPS/OMS. Nota Técnica: Caracterización genómica del SARS-CoV-2 y variantes circulantes en la Región de las Américas. <https://www.paho.org/es/file/75571/download?token=T-ZTNBly>